



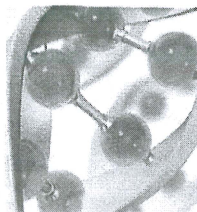
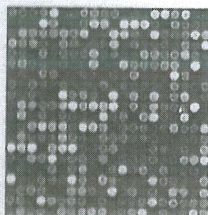
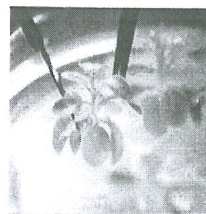
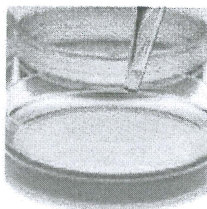
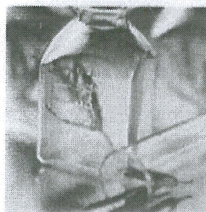
II JORNADAS NACIONAIS GENÉTICA E BIOTECNOLOGIA

Aula Magna da Universidade de Trás-os-Montes e Alto Douro

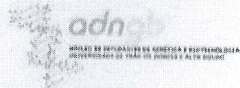
14 e 15 de Maio de 2010, Vila Real



PROGRAMA E RESUMOS



Organização:



Padrão espacial de diversidade genética mitocondrial da abelha melífera (*Apis mellifera* L.) em Trás-os-Montes

²Larissa Silva Souza, ¹Inês Moura, ¹Margarida Neto, ¹Helena Guedes, ¹Paula Baptista, ¹Sância Pires, ¹Maria Alice Pinto

¹CIMO/ Escola Superior Agrária, Instituto Politécnico de Bragança, Campus de Santa Apolónia, Bragança, Portugal;

²Universidade Federal do Recôncavo da Bahia, Campus Universitário de Cruz das Almas, Cruz das Almas, Brasil

Keywords: *Apis mellifera*, mtDNA, Portugal, diversidade genética

Mais de 24 subespécies de abelha melífera (*Apis mellifera* L.) co-existem naturalmente na Europa, África e Médio Oriente. Marcadores moleculares e morfológicos agruparam esta ampla diversidade em 4 linhagens evolutivas (A, M, C, O). A Península Ibérica alberga duas delas (A e M) assim como a maior diversidade e complexidade maternal em toda a Europa. Enquanto as populações de abelhas espanholas têm vindo a ser amplamente estudadas quanto à variação do DNA mitocondrial (mtDNA), a composição genética das populações existentes em Portugal é praticamente desconhecida. Neste trabalho iremos apresentar o primeiro estudo compreensivo da variação maternal em Trás-os-Montes. Mais de 60 colónias foram estudadas utilizando a região COI-COII do mtDNA, a qual mostrou elevada diversidade genética. A maioria das colónias estudadas é predominantemente de origem Africana (linhagem A).